

**FORMATO EUROPEO
PER IL CURRICULUM
VITAE**



INFORMAZIONI PERSONALI

Nome **MONA STEFANO**
Indirizzo
Telefono
Fax
E-mail

Nazionalità
Data di nascita **05/07/1979**

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Date (da – a)
 - Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
 - Tipo di impiego
 - Principali mansioni e responsabilità
 - Date (da – a)
 - Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
 - Tipo di impiego
 - Principali mansioni e responsabilità
 - Date (da – a)
 - Nome e indirizzo del datore di lavoro
 - Tipo di azienda o settore
 - Tipo di impiego
 - Principali mansioni e responsabilità
- 2010-Present
EPHE (Ecole Pratique des Hautes Etudes), Muséum National d'Histoire Naturelle, UMR 7205, Paris, France.
Università
Maitre de Conferences
- 2009-2010
Institute of Ecology and Evolution, University of Bern, Switzerland
Università
Post-doc
- 2007-2009
Department of Biology and Evolution, University of Ferrara, Italy
Università
Post-doc

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

• Date (da – a)	2004-2007
• Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione	Università degli Studi di Bari (Italia)
• Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio	
• Qualifica conseguita	Phd
• Livello nella classificazione nazionale (se pertinente)	
• Date (da – a)	1997-2002
• Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione	Università degli Studi di Bari (Italia)
• Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio	
• Qualifica conseguita	Laurea Magistrale
• Livello nella classificazione nazionale (se pertinente)	

CAPACITÀ E COMPETENZE PERSONALI

Acquisite nel corso della vita e della carriera ma non necessariamente riconosciute da certificati e diplomi ufficiali.

MADRELINGUA

ITALIANO

ALTRE LINGUA

	INGLESE
• Capacità di lettura	ECCELLENTE
• Capacità di scrittura	ECCELLENTE
• Capacità di espressione orale	ECCELLENTE
	FRANCESE
• Capacità di lettura	ECCELLENTE
• Capacità di scrittura	ECCELLENTE
• Capacità di espressione orale	ECCELLENTE

ALLEGATI

ALLEGATO 1 (LISTA PUBBLICAZIONI)

Il sottoscritto STEFANO MONA dichiara di essere informato, ai sensi del d.lgs. n.196/2003 e del GDPR 679/16 – “Regolamento europeo sulla protezione dei dati personali” che i dati personali raccolti saranno trattati anche con strumenti informatici esclusivamente nell’ambito del procedimento per il quale la presente dichiarazione viene resa e per tutti gli adempimenti connessi.

LUOGO E DATA

Ferrara, 08/01/2019

FIRMATO DA: NOME E COGNOME: STEFANO MONA

Copia originale firmata del presente Curriculum Vitae è conservata agli atti dell’Amministrazione

- 1) Mona, S., E. Randi, and M. Tommaseo-Ponzetta. 2007. Evolutionary history of the genus *Sus* inferred from cytochrome b sequences. *Mol Phylogenetic Evol* 45:757-762.
- 2) Mona, S., M. Tommaseo-Ponzetta, S. Brauer, H. Sudoyo, S. Marzuki, and M. Kayser. 2007. Patterns of Y-chromosome diversity intersect with the Trans-New Guinea hypothesis. *Mol Biol Evol* 24:2546-2555.
- 3) Kayser, M., Y. Choi, M. van Oven, S. Mona, S. Brauer, R. J. Trent, D. Suarkia, W. Schieffenhovel, and M. Stoneking. 2008. The impact of the Austronesian expansion: evidence from mtDNA and Y chromosome diversity in the Admiralty Islands of Melanesia. *Mol Biol Evol* 25:1362-1374.
- 4) Mona, S., B. Crestanello, S. Bankhead-Dronnet, E. Pecchioli, S. Ingrosso, S. D'Amelio, L. Rossi, P. G. Meneguz, and G. Bertorelle. 2008. Disentangling the effects of recombination, selection, and demography on the genetic variation at a major histocompatibility complex class II gene in the alpine chamois. *Mol Ecol* 17:4053-4067.
- 5) Mona S., K. Grunz, S. Brauer, B. Pakendorf, L. Castri, H. Sudoyo, S. Marzuki, R. Barnes, J. Schmidtke, M. Stoneking, and M. Kayser. 2009. Genetic admixture history of eastern Indonesia as revealed by Y-chromosome and mitochondrial DNA analysis. *Mol Biol Evol* 26:1865-1877.
- 6) Crestanello B., E. Pecchioli, C. Vernesi, S. Mona, N. Martíková, H. Hauffe, and G. Bertorelle. 2009. The genetic impact of translocations and habitat fragmentation in *Rupicapra* spp.. *Journal of Heredity* 100(6):691-708.
- 7) Ghirotto S., S. Mona, A. Benazzo, F. Paparazzo, D. Caramelli, and G. Barbujani. 2010. Inferring Genealogical Processes from Patterns of Bronze-Age and Modern DNA variation in Sardinia. *Mol Biol Evol* 27(4):875-886.
- 8) Mona S., G. Catalano, G. Larson, M. Lari, P. Boscato, A. Casoli, L. Sineo, C. Di Patti, D. Caramelli and G. Bertorelle. 2010. Population dynamic of the extinct European aurochs: genetic evidence of a North-South differentiation pattern and no evidence of post-glacial expansion. *BMC Evolutionary Biology* 10:83.
- 9) Fuselli S., C. de Filippo, S. Mona, J. Sistonen, P. Fariselli, G. Destro-Bisol, G. Barbujani, G. Bertorelle and A. Sajantila. 2010. Evolution of Detoxifying Systems: the Role of Environment and Population History in Shaping Genetic Diversity at Human CYP2D6 Locus. *Pharmacogenetics and Genomics* 20(8): 485-499.
- 10) Bertorelle G., Benazzo A., and S. Mona. 2010. ABC as a flexible framework to estimate demography over space and time: some cons, many pros. (Review) *Molecular Ecology* 19(13):2609-25
- 11) Lari M., Rizzi E., Mona S., Corti G., Catalano G., Chen K., Vernesi C., Larson G., Boscato P., De Bellis G., Cooper A., Caramelli D and G. Bertorelle. 2011. The Complete Mitochondrial Genome of an 11,450-year-old Aurochsen (*Bos primigenius*) from Central Italy. *BMC Evolutionary Biology* 2011, 11:32
- 12) Frezal L., Meli F., Mousset S., Mona S. and M. Veuille. 2012. Geographical delimitation of a partial selective sweep in African *Drosophila melanogaster*. *Molecular Ecology* 21(23):5702-5714.
- 13) Colonna V., Pistis G., Bomba L., Mona S., Matullo G., Boano R., Sala C., Vigano F., Torroni A., Achilli A., Kashani B., Malerba G., Gambaro G., Soranzo N., and D. Toniolo. 2013. Small effective population size and genetic homogeneity in the Val Borbera isolate. *European Journal of Human Genetics* 21(1):89-94.
- 14) Porretta D., Mastrandrea V., Mona S., Epis S., Montagna M., Sassera D., Bandi C. and S. Urbanelli. 2013. The integration of multiple independent data reveals an unusual response to Pleistocene climatic changes in the hard tick *Ixodes ricinus*. *Molecular Ecology* 22(6):1666-1682.
- 15) Mona S., E. Mordret, M. Veuille and M. Tommaseo-Ponzetta. 2013. Investigating sex-specific dynamics using uniparental markers: West New Guinea as a case study. *Ecology and Evolution* 3(8): 2647–2660.
- 16) Tommaseo-Ponzetta M., Mona S., F. Calabrese, E. Vacca and M. Attimonelli. 2013. Mountain pygmies of Western New Guinea: a morphological and molecular approach. *Human Biology* 85(1-3):285-308.
- 17) Bouiges A., Yassin A., Ikogou M., Lelarge C., Sikoa A., Mona S. and M. Veuille. 2013. Detecting recent changes in the demographic parameters of drosophilid populations from western and central Africa. *Comptes Rendus Geoscience* 345: 297–305

- 18) Mona S., Ray N., Arenas M., and L. Excoffier. 2014. Genetic consequences of habitat fragmentation during a range expansion. *Heredity*, 112(3):291-9.
- 19) Marra A., Mona S., Sà R.M., D'Onghia G., and P. Maiorano. 2015. Population Genetic History of *Aristeus antennatus* (Crustacea: Decapoda) in the Western and Central Mediterranean Sea. *PLoS ONE* 10(3): e0117272.
- 20) Merker M., Blin C., Mona S., Duforet-Frebourg N.,..., Supply P., Niemann S. and T. Wirth. 2015. Evolutionary history and global spread of the *Mycobacterium tuberculosis* Beijing lineage. *Nature Genetics* 47(3):242-9.
- 21) Duminil J., Mona S., Mardulyn P., Doumenge C., Walmacq F., Doucet J. and O.H. Hardy. 2015. Late Pleistocene molecular dating of past population fragmentation and demographic changes in African rain forest tree species supports the forest refuge hypothesis. *Journal of Biogeography* 42:1443–1454.
- 22) Boitard S., Rodriguez W., Jay F., Mona S. and F. Austerlitz. 2016. Inferring population size history from large samples of genome wide molecular data - an approximate Bayesian computation approach. *PLoS Genet* 12(3): e1005877. doi:10.1371/journal.pgen.1005877.
- 23) Maisano Delser P., Corrigan S., Hale M., Li C., Veuille M., Planes S., Naylor G, and S. Mona. 2016. Population genomics of *C. melanopterus* using target gene capture data: demographic inferences and conservation perspectives. *Scientific Reports* 6:33753.
- 24) Delrieu-Trottin E., Mona S., Maynard J., Neglia V., Veuille M., and S. Planes. 2017. Population expansions dominate demographic histories of endemic and widespread Pacific reef fishes. *Scientific Reports* 7:40519.
- 25) Mona S. 2017. On the role played by the carrying capacity and the ancestral population size during a range expansion. *Heredity* 118(2):143-153.
- 26) Corrigan S., Maisano Delser P., Eddy C., Duffy C., Yang L., Li C., Bazinet A., Mona S., and Gavin Naylor. 2017. Historical introgression drives pervasive mitochondrial admixture between two species of pelagic sharks. *Molecular Phylogenetics and Evolution* 110: 122-126.
- 27) Benazzo A., Trucchi E., Cahill J.A., Maisano Delser P., Mona S., Fumagalli M., Bunnefeld L., Cornetti L., Ghirotto S., Girardi M., Ometto L., Panziera A., Rota-Stabelli O., Zanetti E., Karamanlidis A., Groff C., Paule L., Gentile L., Vilà C., Vicario S., Boitani L., Orlando L., Fuselli S., Vernesi C., Shapiro B., Ciucci P., and Bertorelle G. 2017. Survival and divergence in a small group: The extraordinary genomic history of the endangered Apennine brown bear stragglers. *Proc Natl Acad Sci U S A*. 114: E9589-E9597.
- 28) Lalis A., Mona S., Stoetzel E., Bonhomme F., Soutou K., Ouarour A., Aulagnier S., Denys C., Nicolas V. 2018. Out of Africa: demographic and colonization history of the Algerian mouse (*Mus spretus Lataste*). *Heredity (Edinb)*. 2018 May 23.
- 29) Frantz LAF., Rudzinski A., Nugraha AMS., Evin A., Burton J., Hulme-Beaman A., Linderholm A., Barnett R., Vega R., Irving-Pease EK., Haile J., Allen R., Leus K., Shephard J., Hillyer M., Gillemot S., van den Hurk J., Ogle S., Atofanei C., Thomas MG., Johansson F., Mustari AH., Williams J., Mohamad K., Damayanti CS., Wiryadi ID., Obbles D., Mona S., Day H., Yasin M., Meker S., McGuire JA., Evans BJ., von Rintelen T., Ho SYW., Searle JB., Kitchener AC., Macdonald AA., Shaw DJ., Hall R., Galbusera P., Larson G. 2018. Synchronous diversification of Sulawesi's iconic artiodactyls driven by recent geological events. *Proc Biol Sci*. 2018 Apr 11;285(1876).
- 30) Maisano Delser P., Corrigan S., Duckett D., Suwalski A., Veuille M., Planes S., Naylor G., and Stefano Mona. 2018. Demographic inferences after a range expansion can be biased: the test case of the blacktip reef shark (*Carcharhinus melanopterus*). *Heredity*, 10.1038/s41437-018-0164-0.