

CURRICULUM FORMATIVO E PROFESSIONALE

| INFORMAZIONI PERSONALI | |
|-------------------------------|--|
| Nome | FRANCHINI EUGENIA |
| Indirizzo | Via Agucchi 158 |
| Telefono | 3286027271 |
| E-mail | eugenia.franchini@gmail.com |
| Nazionalità | Italiana |
| Data di nascita | 23/04/1988 |

| ESPERIENZE LAVORATIVE | |
|---|---|
| Date: da (gg/mm/aa) a (gg/mm/aa) | 01/01/2013 – 28/02/2017 |
| Nome e indirizzo dell'azienda/ente | Istituto di Ematologia Seragnòli – Azienda Ospedaliera S. Orsola-Malpighi Via Massarenti, 9 40138 Bologna |
| Qualifica/profilo professionale | Tecnico di Laboratorio Biomedico |
| Tipo di rapporto di lavoro (lavoro subordinato/autonomo, a tempo pieno/part time con impegno orario settimanale) | Contratto di collaborazione coordinata e continuativa con BolognaAIL Onlus in Convenzione con l'Azienda Ospedaliero Universitaria di Bologna Policlinico S.Orsola Malpighi per attività assistenziale presso il Laboratorio di Biologia Molecolare diretto dal Prof. Giovanni Martinelli |
| Ambito di attività | Biologia molecolare in campo ematologico |
| Principali mansioni e responsabilità | Separazione di cellule mononucleate e granulociti da midollo osseo o sangue periferico mediante gradiente di densità Reazione di estrazione degli acidi nucleici (RNA, DNA) Progettazione di primers Reazione di retrotrascrizione dell'RNA Reazione di amplificazione genica mediante PCR qualitativa Reazione di amplificazione genica mediante real-time PCR Esecuzione di PCR per elettroforesi capillare e relativa analisi dei risultati Screening mutazionale mediante metodiche di DHPLC Purificazione di PCR qualitative e sequenziamento diretto mediante metodo Sanger Analisi e validazione degli elettroferogrammi Sequenziamento mediante piattaforme di Next Generation Sequencing (454 Roche e MiSeq Illumina) con pannelli |

| | |
|-----------------------------|---|
| Altre esperienze lavorative | <p>multigenici</p> <p>Analisi bionformatica e validazione di dati NGS</p> <p>Consultazione Di Banche Dati</p> <p>Correlazione con l'andamento clinico dei pazienti</p> |
| | <p>Tutor di tirocinio per gli studenti al II anno del CdL in Tecniche di Laboratorio Biomedico per gli aa 2014/15, 2015/16 e 2016/17</p> <p>Tutor di tirocinio specialistico per gli studenti del III anno del CdL in Tecniche di Laboratorio Biomedico per l'aa 2016/2017.</p> <p>Docente al seminario introduttivo propedeutico alle attività di tirocinio per gli studenti del II anno del CdL in Tecniche di Laboratorio Biomedico per l'aa 2016/2017.</p> <p>Docente al DECERPH Meeting a Ferrara nelle giornate 10-12 Ottobre 2016.</p> |

| ISTRUZIONE E FORMAZIONE | |
|--|---|
| <p>• Titolo di studio (lauree, specializzazioni)</p> | Laurea Triennale in Tecniche di Laboratorio Biomedico con votazione di 110/110 e Lode |
| <p>conseguito presso (indicare anche la facoltà):</p> | Università di Bologna Facoltà di Medicina e Chirurgia |
| <p>data conseguimento (gg/mm/aa)</p> | 26/10/2010 |
| <p>durata percorso di studio</p> | 3 anni |
| <p>• Titolo di studio (lauree, specializzazioni)</p> | Laurea Magistrale in Scienze delle Professioni Sanitarie Tecniche Diagnostiche con votazione di 110 |
| <p>conseguito presso:</p> | Università degli Studi di Ferrara |
| <p>data conseguimento (gg/mm/aa)</p> | 16/12/2013 |
| <p>durata corso</p> | 2 anni |
| <p>• Attività formative (frequenze, stage, borse di studio, corsi di formazione, ecc:</p> | <p>Laureato frequentatore presso l'Istituto di Emolinfopatia Seragnoli dell'Azienda Ospedaliera S. Orsola di Bologna dal 10/10/2011 al 31/12/2013.</p> <p>Attività svolte presso il laboratorio di ematologia: caratterizzazione fenotipica di cellule mononucleate da sangue periferico e conseguente analisi citofluorimetrica, semina e lettura di colture emopoietiche ed endoteliali, estrazione RNA da cellule mononucleate, test ELISA per la rilevazione di citochine, messa a punto di metodiche per co-culture di cellule staminali e linee cellulari epatiche.</p> |

| ULTERIORI INFORMAZIONI | |
|---|---|
| <i>Lingue Straniere</i> | <p>INGLESE PARLATO BUONO COMPRENSIONE BUONO SCRITTO BUONO</p> <p>TEDESCO PARLATO SUFFICIENTE COMPRENSIONE SUFFICIENTE SCRITTO SUFFICIENTE</p> |
| Capacità e competenze organizzative, relazionali, tecniche, manageriali | Ottime capacità di interazione con altre persone e ottime attitudini al lavoro di squadra. Inoltre, capacità di organizzazione del tempo e del lavoro, predisposizione al lavoro per obiettivi, capacità di problem solving. |
| Altre Capacità e competenze | Competenze informatiche: Sistema operativi: Windows 98, Windows XP, Windows Vista e Windows 7. Uso abituale di Internet Explorer, Mozilla Firefox, Google Chrome, Microsoft Office, Open Office, posta elettronica. |

PARTECIPAZIONI A CONGRESSI SCIENTIFICI NAZIONALI ED INTERNAZIONALI

- Seminario dei ricercatori del Centro di Ricerca Biomedica Applicata CRBA del Policlinico S. Orsola-Malpighi, Bologna, 13/01/14.
- First Annual Colloquium on Myeloproliferative Neoplasms: Focus on Jak2, Bologna, 28/11/13.
- National Workshop of Hematology-The Tp53 Workshop, Bologna, 10/05/13.
- XIII Congresso Nazionale SIES, Rimini 15-17 Ottobre 2014.
- Nuovi approcci genetici nella diagnostica molecolare. IRST IRCCS Meldola, 24/11/14.
- Bringing Next Generation Sequencing to your clinical lab, Bologna 05/06/2015.
- Il CIRC e le Reti Strategiche per l'Avanzamento delle Biotecnologie in Italia – SNIBA, Bologna 07/07/2015.
- 45° Congresso Nazionale SIE, Firenze 4-7 Ottobre 2015., Bologna 20/10/2015.
- Changing Science. Changing Lives.
- 5° Workshop Nazionale SIES, Ematologia Traslazionale, Pisa 29-30 Ottobre 2015.
- ASH Annual Meeting, Orlando 4-8 Dicembre 2015.
- Investigator Meeting - Studio NEXT-IN-CML / ALL - Napoli, 16 maggio 2016.
- Investigator Meeting - Studio NEXT-IN-CML / ALL - Bologna, 23 maggio 2016.

PUBBLICAZIONI

- **ZUFFA E.**, FRANCHINI E., PAPAYANNIDIS C., BALDAZZI C., SIMONETTI G., TESTONI N., ABBENANTE MC., PAOLINI S., SARTOR C., PARISI S., MARCONI G., CATTINA F., BOCHICCHIO MT, VENTURI C., OTTAVIANI E., CAVO M., MARTINELLI G. Revealing very small FLT3 ITD mutated clones by ultra-deep sequencing analysis has important clinical implications in AML patients. *Oncotarget*. 2015; Sept 5.

PRESENTAZIONE DI POSTER

- ZUFFA E., FRANCHINI E., PAPAYANNIDIS C., BALDAZZI C., TESTONI N., CATTINA F., ABBENANTE MC., PAOLINI S., IACOBUCCHI I., GUADAGNUOLO V., PADELLA A., SIMONETTI G., OTTAVIANI E., MARTINELLI G. Ultra-deep sequencing strategy is a precious tool to find small clones harbouring FLT3 mutations in AML patients. 56° ASH Annual Meeting. San Francisco (California), 6-8 Dicembre 2014.

- CATANI L., ROSSI L., SOLLAZZO D., FRANCHINI E., ROMANO M., ZUFFA E., BARONE M., PERRICONE M., POLVERELLI N., OTTAVIANI E., MARTINELLI G., VIANELLI N., PALANDRI F. Crucial factors of the inflammatory microenvironment promote maintenance of the malignant hemopoietic clone of Myelofibrosis by stimulating survival and inhibiting proliferation of CD 34+ stem/progenitor cells. 56^o ASH Annual Meeting. San Francisco (California), 6-8 Dicembre 2014.
- PAPAYANNIDIS C., FERRARI A., PAOLINI S., BALDAZZI C., SARTOR C., ABBENANTE MC., MARCONI G., PARISI S., VOLPATO F., IACOBUCCI I., PADELLA A., GUADAGNUOLO V., PERRICONE M., ROBUSTELLI V., VENTURI C., SIMONETTI G., CONFICONI A., MANCUSO K., ZANNETTI B., OTTAVIANI E., ZUFFA E., FRANCHINI E., TESTONI N., CAVO M., MARTINELLI G. Very poor outcome and chemoresistance of Acute Myeloid
- FERRARI A., PAPAYANNIDIS C., ZUFFA E., BALDAZZI C., PADELLA A., FRANCHINI E., IACOBUCCI I., PAOLINI S., GUADAGNUOLO V., PERRICONE M., ROBUSTELLI V., VENTURI C., ABBENANTE MC., PARISI S., SARTOR C., VOLPATO F., CATTINA F., SIMONETTI G., FONTANA MC., BOCHICCHIO MT., FRABETTI F., LANI E., MANCUSO K., ZANNETTI B., LUATTI S., OTTAVIANI E., TESTONI N., MARTINELLI G. TP53 mutations are mutually exclusive with FLT3 and NPM mutations in AML patients and are strongly associated with complex karyotype and poor outcome. AACR Annual Meeting. Philadelphia (Pennsylvania), 18-22 Aprile 2015.
- PADELLA A., SIMONETTI G., IACOBUCCI I., DOVALLE I., ZAGO E., GRIGGIO F., GARONZI M., MANFRINI M., GUADAGNUOLO V., BERNARDI S., PAPAYANNIDIS C., ABBENANTE MC., MARCONI G., MELLONI G., RIVA L., BRUNO S., FONTANA MC., ZUFFA E., FRANCHINI E., BALDAZZI C., CAVO M., TESTONI N., OTTAVIANI E., PELICCI PG., SAZZINI M., FERRARINI A., DELLEDONNE M., REMONDINI D., MARTINELLI G. Mapping whole-exome sequencing data of Acute Myeloid Leukemia patients into KEGG pathways. 20th Congress of European Haematology Association, Vienna 11-14 June 2015.
- BOCHICCHIO MT., VENTURI C., SPINELLI O., DIVONA MD, ZAGARIA A., VOLPENGO A., SANTORO A., DIVERIO D., RUGGERI G., ALBANO F., GOTTARDI EM., OTTAVIANI E., CIURNELLI R., ANELLI L., ZUFFA E., FRANCHINI E., MARTINELLI G., CAVO M. An Italian multicentric evaluation of the Q-LAMP technology applied to the molecular detection of BCR-ABL transcripts in archived RNA from Philadelphia positive onset samples. 20th Congress of European Haematology Association, Vienna 11-14 June 2015.
- SIMONETTI G., PADELLA A., IACOBUCCI I., DO VALLE I., FONTATAROSA G., ZAGO E., GRIGGIO F., GARONZI M., BERNARDI S., PAPAYANNIDIS C., ABBENANTE MC., MARCONI G., MELLONI G., RIVA L., GUADAGNUOLO V., FONTANA M., BRUNO S., ZUFFA E., FRANCHINI E., ASTOLFI A., BALDAZZI C., DAN E., SINIGAGLIA B., CAVO M., TESTONI N., OTTAVIANI E., PELICCI PG., SAZZINI M., FERRARINI A., DELLEDONNE M., REMONDINI D., MARTINELLI G. European network NGS-PTL preliminary data: whole exome sequencing identifies mutations of ALDH2, RETSAT, HSPG2, CHPF, and other metabolic genes as a novel functional category in Acute Myeloid Leukemia. 20th Congress of European Haematology Association, Vienna 11-14 June 2015.
- CRISTINA PAPAYANNIDIS, MD, PHD, ANNA CANDONI, MD, MICHELE MALAGOLA, GIOVANNI MARCONI, MD, MARCO MANFRINI, PHD, GIORGIA SIMONETTI, PHD, ELISA ZUFFA, PHD, MARIA CHIARA ABBENANTE, MD, SARAH PARISI, M.D., STEFANIA PAOLINI, CHIARA SARTOR, EUGENIA FRANCHINI, EMANUELA OTTAVIANI, CLAUDIA VENTURI, PHD, MARIA CHIARA FONTANA, ANTONELLA PADELLA, VIVIANA GUADAGNUOLO, PHD, MARIA TERESA BOCHICCHIO, ANNA FERRARI, PHD, SIMONA SOVERINI, NICOLETTA TESTONI, CARMEN BALDAZZI, PHD, RENATO FANIN, DOMENICO RUSSO, MICHELE CAVO, MD AND GIOVANNI MARTINELLI, MD, PHD Gemtuzumab-Ozogamicin Containing Regimens As Induction Therapy Give the Highest Complete Remission Rate and the Longest Overall Survival Compared with Other Induction Regimens in Patients with Newly Diagnosed Acute Myeloid Leukemia. Orlando, 4-8 Dicembre 2015.

- GIOVANNI MARCONI, MD, CRISTINA PAPAYANNIDIS, MD, PHD, FEDERICO MOSNA, MICHELE GOTTARDI, GIORGIA SIMONETTI, PHD, SIMONA SOVERINI, ANTONIO CURTI, MD, PHD, ELISA ZUFFA, PHD, MARIA CHIARA ABBENANTE, MD, SARAH PARISI, M.D., STEFANIA PAOLINI, MD, CHIARA SARTOR, EUGENIA FRANCHINI, EMANUELA OTTAVIANI, CLAUDIA VENTURI, PHD, MARIA CHIARA FONTANA, ANTONELLA PADELLA, VIVIANA GUADAGNUOLO, PHD, MARIA TERESA BOCHICCHIO, ANNA FERRARI, PHD, NICOLETTA TESTONI, CARMEN BALDAZZI, PHD, MARCO MANFRINI, PHD, DEBORA CAPELLI, MD, PIERO GALIENI, ANDREA PICCIN, MD, GIUSEPPE VISANI, M.D., FRANCESCO RODEGHIERO, CRISTINA TECCHIO, FILIPPO GHERLINZONI, MD, MICHELE CAVO AND GIOVANNI MARTINELLI, MD, PHD Two or More Chemotherapy Consolidation Courses, Followed By Autologous Bone Marrow Transplantation, and MRD Negativity, Give Long Term Overall Survival in Acute Myeloid Leukemia Patients. Orlando, 4-8 Dicembre 2015.
- E. FRANCHINI, E. ZUFFA, A. PADELLA, G. SIMONETTI, M. MANFRINI, M.A. LAGINESTRA, G. MOTTA, C. BALDAZZI, G. F. PRISINZANO, C. VENTURI, M.T. BOCHICCHIO, N. TESTONI, C. PAPAYANNIDIS, G. MARCONI, M. PERRICONE, E. OTTAVIANI, G. MARTINELLI. Use of NGS multigenic panel in molecular diagnostic of myeloid malignancies to stratify patients for personalized therapies. EHA 2016 - The 21st European Hematology Association Congress, 9-12 giugno 2016.
- E. FRANCHINI, C. VENTURI, G.F. PRISINZANO, E. ZUFFA, M.T. BOCHICCHIO, V. GUADAGNUOLO, A. PADELLA, G. SIMONETTI, S. PAOLINI, C. PAPAYANNIDIS, G. MARCONI, C. BALDAZZI, N. TESTONI, C. SARTOR, E. TENTI, M. RAFFINI, M. CAVO, E. OTTAVIANI, G. MARTINELLI. DNMT3a mutational status in 219 AML patients: atypical mutations respond better than typical ones. XIV Congresso Nazionale SIES, Rimini, 19/21 ottobre 2016.
- S. LO MONACO, G. MARCONI, M.C. FONTANA, C. PAPAYANNIDIS, E. FONZI, C. BALDAZZI, N. TESTONI, E. OTTAVIANI, E. FRANCHINI, A. FERRARI, G. SIMONETTI, A. PADELLA, A. GHELLI LUSERNA DI RORÀ, V. ROBUSTELLI, S. PAOLINI, M.C. ABBENANTE, S. PARISI, J. NANNI, L. BERTAMINI, G. MARTINELLI. Deficient necroptosis pathway as a negative prognostic factor in acute myeloid leukemia. 2017 ASCO Annual Meeting (June 2-6, 2017)
- M.C. FONTANA, G. MARCONI, C. PAPAYANNIDIS, E. FONZI, E. OTTAVIANI, E. FRANCHINI, A. FERRARI, G. SIMONETTI, A. PADELLA, S. BRUNO, N. TESTONI, C. BALDAZZI, A. GHELLI LUSERNA DI RORÀ, V. ROBUSTELLI, M.C. ABBENANTE, S. PAOLINI, J. NANNI, L. BERTAMINI, G. MARTINELLI Microarray Analysis Identifies Novel Copy Number Alterations in Acute Myeloid Leukemia. 2017 ASCO Annual Meeting (June 2-6, 2017).
- J. NANNI, G. MARCONI, M.C. FONTANA, C. PAPAYANNIDIS, S. LO MONACO, C. BALDAZZI, A. PADELLA, G. SIMONETTI, A. GHELLI LUSERNA DI RORÀ, V. ROBUSTELLI, N. TESTONI, M.C. ABBENANTE, S. PAOLINI, E. FRANCHINI, E. OTTAVIANI, G. MARTINELLI, L. BERTAMINI. Copy Number Variants Signature in Two Patients with Relapsed Acute Promyelocytic Leukemia. 2017 ASCO Annual Meeting (June 2-6, 2017).

PRESENTAZIONI ORALI

- ZUFFA E., FRANCHINI E., PAPAYANNIDIS C., BALDAZZI C., TESTONI N., PAOLINI S., ABBENANTE M.C., CATTINA F., OTTAVIANI E., MARTINELLI G. Il sequenziamento di nuova generazione ultra-deep è una importante strategia per evidenziare piccoli cloni FLT3 mutati nei pazienti con AML. XIII Congresso Nazionale SIES, Rimini 15-17 Ottobre 2014.
- PAPAYANNIDIS C., FERRARI A., PAOLINI S., BALDAZZI C., SARTOR C., ABBENANTE MC., MARCONI G., PARISI S., VOLPATO F., IACOBUCCHI I., PADELLA A., GUADAGNUOLO V., PERRICONE M., ROBUSTELLI V., VENTURI C., SIMONETTI G., CONFICONI A., MANCUSO K., ZANNETTI B., OTTAVIANI E., ZUFFA E., FRANCHINI E., TESTONI N., CAVO M., MARTINELLI G. Very poor outcome and chemoresistance of Acute Myeloid Leukemia patients with TP53 mutations: correlation with complex karyotype and clinical outcome. 56° ASH Annual Meeting. San Francisco (California), 6-8 Dicembre 2014.

- BOCHICCHIO MT., VENTURI C., SPINELLI O., DIVONA MD, ZAGARIA A., VOLPENGO A., SANTORO A., DIVERIO D., RUGGERI G., ALBANO F., GOTTARDI EM., OTTAVIANI E., CIURNELLI R., ANELLI L., ZUFFA E., FRANCHINI E., CAVO M., MARTINELLI G. Valutazione della tecnologia Diasorin Q-LAMP per la diagnosi molecolare delle Leucemie Philadelphia positive: studio multicentrico sul territorio italiano. 45° Congresso Nazionale SIE, Firenze 4-7 Ottobre 2015.
- SIMONETTI G., PADELLA A., IACOBUCCI I., DO VALLE I., FONTATAROSA G., ZAGO E., GRIGGIO F., GARONZI M., BERNARDI S., PAPAYANNIDIS C., ABBENANTE MC., MARCONI G., MELLONI G., RIVA L., GUADAGNUOLO V., FONTANA M., BRUNO S., FERRARI A., ZUFFA E., FRANCHINI E., ASTOLFI A., BALDAZZI C., DAN E., SINIGAGLIA B., CAVO M., TESTONI N., OTTAVIANI E., PELICCI PG., SAZZINI M., FERRARINI A., DELLEDONNE M., REMONDINI D., MARTINELLI G. Mutazioni di ALDH2, IMPDH2, RETSAT, HSPG2, CHPF e di altri geni coinvolti nel metabolismo, identificate mediante Whole Exome Sequencing, rappresentano una nuova categoria funzionale di alterazioni genomiche nella Leucemia Acuta Mieloide. 45° Congresso Nazionale SIE, Firenze 4-7 Ottobre 2015.
- PERRICONE M., POLVERELLI N. OTTAVIANI E., ZUFFA E., FRANCHINI E., FORTE D., MARTINELLI G., CAVO M., VIANELLI N., PALANDRI F. Significato clinico di un basso allele burden della mutazione V617F del gene JAK2: uno studio multicentrico. 45° Congresso Nazionale SIE, Firenze 4-7 Ottobre 2015.
- E. FRANCHINI, E. ZUFFA, A. PADELLA, G. SIMONETTI, M. MANFRINI, M.A. LAGINESTRA, C. BALDAZZI, G. F. PRISINZANO, C. VENTURI, M.T. BOCHICCHIO, N. TESTONI, C. PAPAYANNIDIS, G. MARCONI, M. RAFFINI, M. PERRICONE, E. OTTAVIANI, G. MARTINELLI Use of NGS multigenic panel in molecular diagnostic of myeloid malignancies to stratify patients for personalized therapies. XIV Congresso Nazionale SIES, Rimini, 19/21 ottobre 2016.

Il sottoscritto acconsente, ai sensi del D.Lgs. 30/06/2003 n.196, al trattamento dei propri dati personali.

Il sottoscritto acconsente alla pubblicazione del presente curriculum vitae sul sito dell'Università di Ferrara.